



Napp について

Napp (Numeric Analysis Program for Pharmacokinetics)は、薬物体内動態の解析を目的とした、シミュレーション、パラメータ計算、数値解析のためのプログラムです。

1. 薬物体内動態の解析に通常使われるコンパートメントモデルをライブラリとして持つのに加え、モデルを自由に定義し、かつ組み合わせることができます。モデルは、通常の方程式、微分方程式 (Runge-Kutta-Fehlberg 法で計算)、ラプラス変換式 (2次精度 FILT 法で計算)、及び偏微分方程式 (一次元放物型、差分法で計算) で定義できます。これにより複雑な生理学的モデル、循環モデル、拡散モデルなどを扱えます。
2. 上記の全てのモデルを使って、ポピュレーション解析 (拡張最小二乗法)、およびベイズ推定を実施できます。モデルにあわせて、多量のデータをランダムに発生させることができます。また、ブートストラップ解析を自動的に行う機能を持ちます。
3. モーメント解析、微分、積分、コンボリューションなどの、薬物動態解析で使う多くの数値解析の機能を持ちます。
4. 多量のデータの 10 次までの線形回帰分析が可能です。また、対数、Lineweaver-Burk、Logit プロットなどの数値変換が行えることから、酵素反応速度解析などに利用できます。

注意: このプログラムは商業的利用を目的に作られたものではありません。十分注意して作成されましたが、このプログラムを用いることによって生じるあらゆる結果に対し、解析の正しさ及びこのドキュメントの正しさも含め、作成者およびその所属組織は一切の責任を持つことはできません。ご理解の上、使用下さい。他のプログラムの解析結果をも参照するなど、結果の

妥当性に十分にご注意ください。

このプログラムの一部あるいは全部に関わらず、無断で販売、配布、改変を行わないで下さい。このプログラムを用いて解析した結果を公表するときには、このプログラムを用いたこと、およびその時に使用したバージョンの明記をお願いします。

このマニュアルの図は、一部は古いバージョンのものを使用しており、現在のバージョンとは若干異なる場合があります。また局所的には、記述自身が最新のバージョンに対応していない場合もあります。どうか、ご了承下さい。

このプログラムを作成者あるいはその所属組織としてサポートすることはありません。ただし、作成者に直接お問い合わせ頂ければ、お答えできる場合もあります。

